Supplement

Table S1. Estimates of evolutionary divergence between species sequences of **Trichromotrhips** genus (kimura 2-parameter distance) by MEGA X

	Thrips knoxi_TH200201	T. alis_TH215300	T. elegans_TH103700	T. elegans_TH103800	T. elegans_TH216701	T. elegans_TH216703	T. formosus_TH216401	T. formosus_TH216402	T. fragilis_TH210601	T. fragilis_TH210602	T. fragilis_TH210603	T. fragilis_TH216801	T. fragilis_TH216802
Thrips knoxi_TH200201													
T. alis_TH215300	0.2666666667												
T. elegans_TH103700	0.2635658915	0.0974124810											
T. elegans_TH103800	0.2651162791	0.0989345510	0.0015220700										
T. elegans_TH216701	0.2651162791	0.0974124810	0.0030441400	0.0045662100									
T. elegans_TH216703	0.2620155039	0.0913242009	0.0076103501	0.0091324201	0.0076103501								
T. formosus_TH216401	0.2620155039	0.1765601218	0.1491628615	0.1506849315	0.1506849315	0.1445966514							
T. formosus_TH216402	0.2604651163	0.1750380518	0.1476407915	0.1491628615	0.1491628615	0.1430745814	0.0045662100						
T. fragilis_TH210601	0.2465116279	0.1826484018	0.1735159817	0.1735159817	0.1750380518	0.1719939117	0.2130898021	0.2100456621					
T. fragilis_TH210602	0.2465116279	0.1826484018	0.1735159817	0.1735159817	0.1750380518	0.1719939117	0.2130898021	0.2100456621	0.0000000000				
T. fragilis_TH210603	0.2465116279	0.1826484018	0.1735159817	0.1735159817	0.1750380518	0.1719939117	0.2130898021	0.2100456621	0.0000000000	0.0000000000			
T. fragilis_TH216801	0.2403100775	0.1872146119	0.1811263318	0.1811263318	0.1841704718	0.1796042618	0.2207001522	0.2176560122	0.1278538813	0.1278538813	0.1278538813		
T. fragilis_TH216802	0.2403100775	0.1872146119	0.1811263318	0.1811263318	0.1841704718	0.1796042618	0.2207001522	0.2176560122	0.1278538813	0.1278538813	0.1278538813	0.0000000000	
T. fragilis_TH216803	0.2403100775	0.1872146119	0.1811263318	0.1811263318	0.1841704718	0.1796042618	0.2207001522	0.2176560122	0.1278538813	0.1278538813	0.1278538813	0.0000000000	0.0000000000
T. fragilis_TH216804	0.2403100775	0.1872146119	0.1811263318	0.1811263318	0.1841704718	0.1796042618	0.2207001522	0.2176560122	0.1278538813	0.1278538813	0.1278538813	0.0000000000	0.0000000000
T. fragilis_TH216805	0.2403100775	0.1872146119	0.1811263318	0.1811263318	0.1841704718	0.1796042618	0.2207001522	0.2176560122	0.1278538813	0.1278538813	0.1278538813	0.0000000000	0.0000000000
T. fragilis_TH216806	0.2403100775	0.1872146119	0.1811263318	0.1811263318	0.1841704718	0.1796042618	0.2207001522	0.2176560122	0.1278538813	0.1278538813	0.1278538813	0.0000000000	0.0000000000
T. guizhouensis_TH215801	0.2620155039	0.1476407915	0.1141552511	0.1156773212	0.1171993912	0.1141552511	0.1750380518	0.1735159817	0.1750380518	0.1750380518	0.1750380518	0.1826484018	0.1826484018
T. guizhouensis_TH215802	0.2604651163	0.1461187215	0.1126331811	0.1141552511	0.1156773212	0.1126331811	0.1765601218	0.1750380518	0.1735159817	0.1735159817	0.1735159817	0.1811263318	0.1811263318
T. guizhouensis_TH215803	0.2604651163	0.1461187215	0.1126331811	0.1141552511	0.1156773212	0.1126331811	0.1765601218	0.1750380518	0.1735159817	0.1735159817	0.1735159817	0.1811263318	0.1811263318
T. guizhouensis_TH215804	0.2604651163	0.1461187215	0.1126331811	0.1141552511	0.1156773212	0.1126331811	0.1765601218	0.1750380518	0.1735159817	0.1735159817	0.1735159817	0.1811263318	0.1811263318
T. trifasciatus_TH211801	0.2418604651	0.1887366819	0.1628614916	0.1628614916	0.1659056317	0.1628614916	0.2070015221	0.2039573820	0.1308980213	0.1308980213	0.1308980213	0.1308980213	0.1308980213
T. trifasciatus_TH211802	0.2434108527	0.1917808219	0.1659056317	0.1659056317	0.1689497717	0.1659056317	0.2085235921	0.2054794521	0.1308980213	0.1308980213	0.1308980213	0.1324200913	0.1324200913
T. sp."Yunnan, Jinping"_TH215100	0.2759689922	0.1811263318	0.1613394216	0.1628614916	0.1613394216	0.1598173516	0.2115677321	0.2130898021	0.1856925419	0.1856925419	0.1856925419	0.1796042618	0.1796042618

	T. fragilis_TH216803	T. fragilis_TH216804	T. fragilis_TH216805	T. fragilis_TH216806	T. guizhouensis_TH215801	T. guizhouensis_TH215802	T. guizhouensis_TH215803	T. guizhouensis_TH215804	T. trifasciatus_TH211801	T. trifasciatus_TH211802	T. sp."Yunnan, Jinping"_TH215100
Thrips knoxi_TH200201											
T. alis_TH215300											
T. elegans_TH103700											
T. elegans_TH103800											
T. elegans_TH216701											
T. elegans_TH216703											
T. formosus_TH216401											
T. formosus_TH216402											
T. fragilis_TH210601											
T. fragilis_TH210602											
T. fragilis_TH210603											
T. fragilis_TH216801											
T. fragilis_TH216802											
T. fragilis_TH216803											
T. fragilis_TH216804	0.0000000000										
T. fragilis_TH216805	0.0000000000	0.0000000000									
T. fragilis_TH216806	0.0000000000	0.0000000000	0.0000000000								
T. guizhouensis_TH215801	0.1826484018	0.1826484018	0.1826484018	0.1826484018							
T. guizhouensis_TH215802	0.1811263318	0.1811263318	0.1811263318	0.1811263318	0.0045662100						
T. guizhouensis_TH215803	0.1811263318	0.1811263318	0.1811263318	0.1811263318	0.0045662100	0.0000000000					
T. guizhouensis_TH215804	0.1811263318	0.1811263318	0.1811263318	0.1811263318	0.0045662100	0.0000000000	0.0000000000				
T. trifasciatus_TH211801	0.1308980213	0.1308980213	0.1308980213	0.1308980213	0.1719939117	0.1704718417	0.1704718417	0.1704718417			
T. trifasciatus_TH211802	0.1324200913	0.1324200913	0.1324200913	0.1324200913	0.1750380518	0.1735159817	0.1735159817	0.1735159817	0.0045662100		
T. sp."Yunnan, Jinping"_TH215100	0.1796042618	0.1796042618	0.1796042618	0.1796042618	0.1735159817	0.1689497717	0.1689497717	0.1689497717	0.1841704718	0.1856925419	

The number of base differences per site from between sequences are shown. This analysis involved 24 nucleotide sequences. Codon positions included were 1st+2nd+3rd+Noncoding. All ambiguous positions were removed for each sequence pair (pairwise deletion option). There were a total of 660 positions in the final dataset. Evolutionary analyses were conducted in MEGA X