



Supplement

The following supplementary materials are available for this article: Boonmee, W., Yeh, W.-B. 2025 Thrips fauna on mountainous regions in Taiwan Island, with description of a new species from montane areas, *Thrips hehuanshanensis* sp. nov. (Thysanoptera, Thripidae). Taiwania 70(3): 389-397. doi: 10.6165/tai.2025.70.389

Table S1. Thrips species and accession numbers of COI sequences totally 116 sequences.

No.	Thrips species	Accession number	No.	Thrips species	Accession number
1	<i>Thrips alatus</i>	HQ991657	59		AM932052
2		KP845631	60		AM932051
3		JF839933	61	<i>Thrips orientalis</i>	KX707646
4		KP845590	62		KM507077
5		KX622310	63		KU902453
6	<i>Thrips apicatus</i>	KP845709	64		KU902452
7		KP845742	65		KM507078
8		KX622325	66	<i>Thrips palmi</i>	KX233569
9		KX622326	67		KP845864
10	<i>Thrips australis</i>	KC513196	68		KP845849
11	<i>Thrips carthami</i>	JF839922	69		KP845827
12		JF839919	70		KP845806
13		JF839917	71	<i>Thrips parvispinus</i>	KM485667
14		KX622331	72		KM485666
15		KX622330	73		KM485665
16	<i>Thrips coloratus</i>	KP845863	74		KM485664
17		KP845851	75		KM485663
18		KP845811	76		KM485662
19		KP845766	77	<i>Thrips setipennis</i>	KC513199
20		KP845758	78		KF778775
21	<i>Thrips decens</i>	JF839902	79		KF778778
22		KP845797	80		KF778779
23	<i>Thrips flavidulus</i>	JF839946	81		KC513198
24		JF839939	82	<i>Thrips setosus</i>	AB277234
25		JF839938	83		AB277233
26		JF839934	84		AB277232
27		JF839931	85		MG207684
28	<i>Thrips flavus</i>	KP845860	86		MK491654
29		KP845859	87	<i>Thrips subnudula</i>	KX622442
30		KP845858	88		KX622441
31		KP845853	89		KX622440
32		KP845839	90		KX622439
33	<i>Thrips florum</i>	KP845688	91		KX622438
34		KX622351	92	<i>Thrips tabaci</i>	AB262444
35		KX622350	93		AB262443
36		KX622349	94		AB262442
37	<i>Thrips hawaiiensis</i>	KX622348	95		AB262441
38		KX233568	96		AB262440
39		KX233567	97	<i>Thrips trehernei</i>	KP871487
40		KP845579	98		KP871486
41		KP871233	99		KP871388
42	<i>Thrips knoxi</i>	KC513197	100		KP871219
43	<i>Thrips major</i>	HM246171	101		KP845848
44		FN546080	102	<i>Thrips urticae</i>	FN546126
45		FN546079	103		FN546125
46		FN546078	104		FN546124
47		FN546076	105		FN546123
48	<i>Thrips minutissimus</i>	FN546057	106		FN546122
49		FN546056	107	<i>Thrips validus</i>	KR380550
50		FN546055	108		MF746180
51		FN546054	109		MF744656
52		FN546053	110		FN546086
53	<i>Thrips moundi</i>	KX622364	111		FN546085
54		KX622363	112	<i>Thrips vulgatissimus</i>	KM537771
55		KP993174	113		KM537760
56		KP993173	114		KM537444
57		KX622362	115		KM537220
58	<i>Thrips nigropilosus</i>	AB277227	116		KM537200



Table S2 Average proportional sequence divergences (%) in the COI sequences among 30 thrips species (Top) and within species (diagonal); standard errors are shown down-right.

	Tala Tall Tand Tapi Taus Tcar Tcol Tdec Tflav Tfla Tflo Tfor Thaw Tkno Tmaj Tmin Tmou Tnig Tori Tpal Tpar Tset Tseto Tsub Ttab Ttre Turt Tval Tvul Tvh Tfin																															
*Tala	**0	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	
Tall	15.2	0	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	
Tand	16.6	14.7	0	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	
Tapi	17.4	14.6	15.5	0.01	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Taus	17.0	16.0	15.4	13.8	n/c	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	
Tcar	17.3	17.2	17.2	15.8	15.6	0.01	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.0	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Tcol	17.6	14.5	15.3	12.5	15.3	17.0	0	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Tdec	16.9	14.6	14.4	14.2	14.9	16.8	13.5	0	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Tflav	19.4	13.1	15.9	17.0	16.8	16.0	15.6	17.2	0.01	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	
Tfla	19.3	14.0	16.6	16.2	16.9	17.0	15.2	16.8	5.2	0.07	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	
Tflo	17.3	15.7	9.8	16.2	15.5	17.3	16.1	15.1	16.7	17.2	0.12	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	
Tfor	18.1	18.0	17.6	16.9	18.3	18.4	17.8	18.5	18.4	19.8	18.3	0.03	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	
Thaw	17.2	15.5	14.4	13.8	12.8	15.6	15.1	14.5	17.1	17.4	12.9	19.1	0.05	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	
Tkno	19.4	18.1	14.6	17.4	17.1	17.9	16.0	16.4	18.7	18.8	16.3	18.3	15.9	n/c	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Tmaj	15.7	14.5	15.9	14.0	16.1	16.9	14.0	14.8	15.9	15.4	16.3	16.9	15.1	18.0	0.07	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	
Tmin	19.0	15.2	15.5	14.1	13.6	16.9	17.2	15.2	18.2	17.3	16.7	18.7	16.6	19.8	17.1	0.02	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Tmou	17.4	16.9	16.8	16.1	15.8	1.8	16.9	16.4	15.9	16.7	17.2	18.4	15.5	18.0	17.0	17.6	0.01	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	
Tnig	18.8	18.4	17.3	18.5	17.5	18.6	17.9	18.5	19.0	18.3	17.5	18.1	18.1	21.6	17.9	16.2	18.5	0.03	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	
Tori	19.3	15.6	15.5	15.5	14.7	17.5	15.5	16.2	16.9	17.4	16.3	19.5	15.3	16.8	17.9	16.9	17.2	20.6	0.01	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	
Tpal	16.6	15.9	15.9	15.3	15.7	16.3	15.6	15.6	18.5	18.9	16.0	17.6	15.6	17.2	16.8	16.7	15.8	18.1	17.2	0.07	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	
Tpar	18.8	15.8	14.6	16.7	16.4	17.7	15.0	15.4	16.6	18.0	15.8	21.3	14.9	17.3	17.1	17.9	17.5	19.4	14.0	16.7	0	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	
Tset	19.0	15.1	15.5	14.4	15.4	15.9	15.8	15.2	16.9	16.6	16.2	19.5	16.0	16.0	15.8	16.9	16.7	17.7	17.1	16.8	16.1	0.09	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	
Tseto	18.3	16.3	17.9	18.8	17.7	18.6	16.2	17.7	18.5	18.1	17.7	19.0	17.2	17.1	16.6	17.5	19.2	20.0	18.2	18.6	21.0	18.0	0.02	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	
Tsub	16.0	16.3	16.3	14.5	13.6	17.6	14.1	14.8	16.5	16.2	16.1	19.8	14.8	16.6	13.7	15.4	17.8	17.3	15.9	16.0	16.8	15.5	15.3	0	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	
Tab	21.8	17.4	17.4	17.4	16.0	20.2	18.7	17.0	18.7	18.2	17.8	18.9	15.8	20.0	18.2	15.6	20.3	18.7	18.7	19.1	20.8	17.9	19.3	18.3	0.01	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
Ttre	20.3	16.6	15.9	15.1	16.2	17.2	15.9	16.6	16.5	16.4	16.5	18.7	17.4	15.7	16.7	16.8	17.3	19.1	16.8	17.0	18.2	15.9	18.3	16.3	17.4	0	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	
Turt	17.1	15.8	15.5	15.3	17.0	15.9	17.2	16.6	17.7	17.9	16.0	17.7	16.5	21.9	14.6	17.7	15.4	15.9	19.8	16.2	16.5	18.0	18.4	16.8	19.1	17.5	0	0.1	0.2	0.2	0.2	
Tval	16.3	16.3	14.7	16.6	16.4	14.9	16.6	14.1	16.0	15.6	15.6	18.3	15.7	19.4	14.6	14.3	14.9	16.5	17.0	15.6	18.1	14.6	16.1	16.1	18.6	15.4	16.1	0	0.1	0.1	0.2	
Tvul	19.2	16.2	17.6	14.9	16.4	15.5	15.5	15.8	16.6	17.3	16.9	17.5	15.6	17.3	18.2	16.0	15.4	20.2	14.3	16.1	14.5	18.0	20.1	18.4	17.8	15.5	18.4	15.1	0	0.2	0.2	
Thsh	15.8	14.3	14.0	16.4	17.2	15.4	17.2	17.0	16.6	17.4	15.4	16.6	15.8	17.6	13.9	15.3	15.0	17.4	16.5	15.3	17.8	16.5	14.5	15.5	16.9	16.8	14.6	12.8	17.0	0	0.1	
Fint	20.5	19.1	18.7	21.4	18.3	20.8	21.2	21.5	20.9	21.1	19.2	21.2	18.0	19.0	19.6	20.4	20.9	21.7	18.9	19.5	19.4	19.8	19.4	19.1	19.0	18.2	21.9	22.3	20.1	19.6	0	

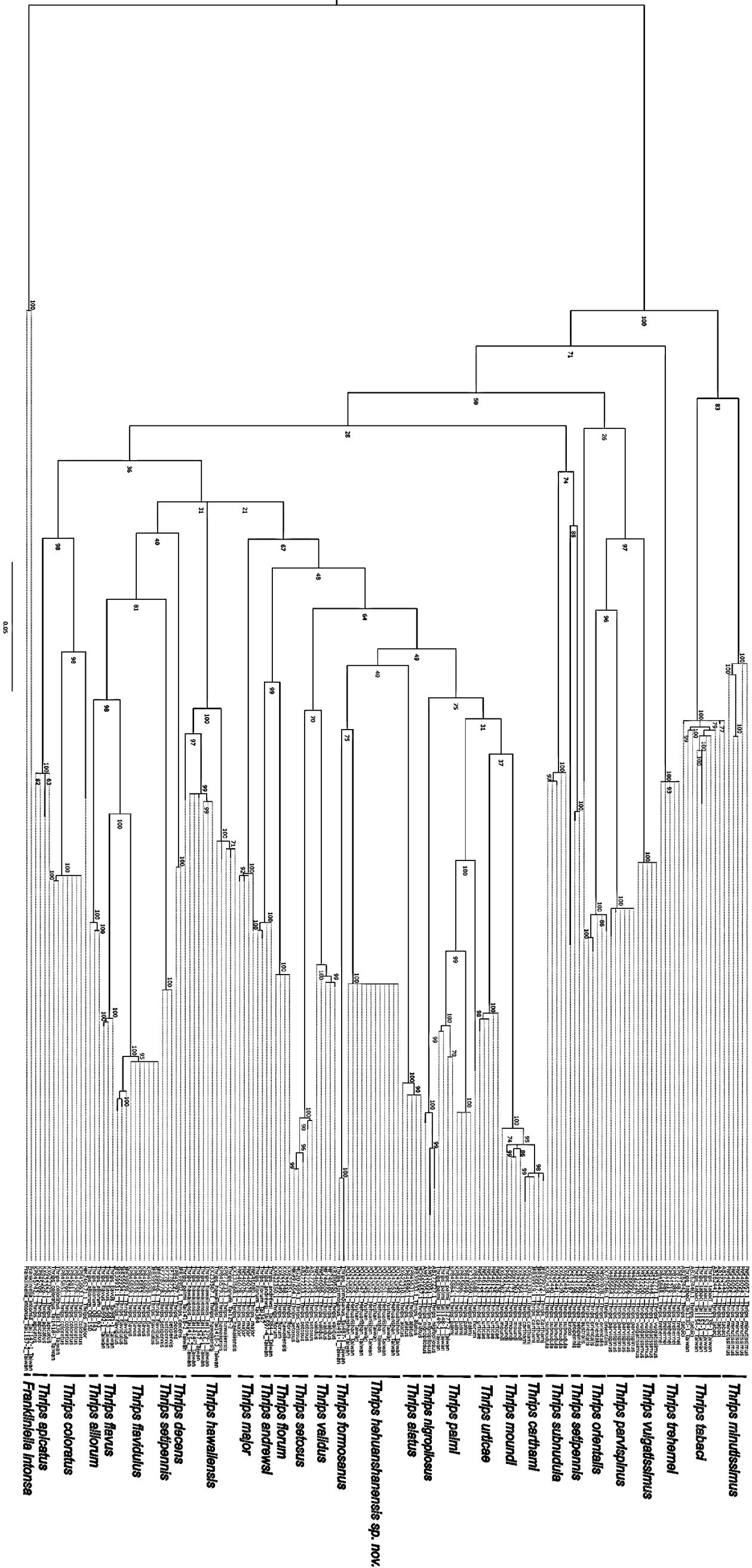


Fig. S1. Phylogenetic clusters of *Thrips* species based on COI sequences obtained using maximum likelihood analysis.